

2022

Häufigste Erreger	Ambulant		Häufigste Erreger	Stationär		Häufigste Erreger	Normalstation		Häufigste Erreger	Intensivstation		Häufigste Erreger	Blutkultur	
	Anzahl	%		Anzahl	%		Anzahl	%		Anzahl	%		Anzahl	%
<i>E. coli</i>	19.299	35,1	<i>E. coli</i>	27.149	23,3	<i>E. coli</i>	21.229	24,3	<i>E. coli</i>	2.555	15,4	<i>S. epidermidis</i>	3.378	20,7
<i>S. aureus</i>	6.697	12,2	<i>S. aureus</i>	13.557	11,6	<i>S. aureus</i>	10.375	11,9	<i>S. epidermidis</i>	1.768	10,6	<i>E. coli</i>	2.660	16,3
<i>E. faecalis</i>	3.892	7,1	<i>K. pneumoniae</i>	7.153	6,1	<i>K. pneumoniae</i>	5.393	6,2	<i>S. aureus</i>	1.583	9,5	<i>S. aureus</i>	1.613	10,0
Streptokokken Gruppe B / <i>S. agalactiae</i>	3.665	6,7	<i>E. faecalis</i>	6.562	5,6	<i>E. faecalis</i>	5.248	6,0	<i>K. pneumoniae</i>	1.140	6,9	<i>S. hominis</i>	1.390	8,5
<i>K. pneumoniae</i>	2.453	4,5	<i>S. epidermidis</i>	6.146	5,3	<i>P. mirabilis</i>	4.503	5,2	<i>P. aeruginosa</i>	987	5,9	<i>S. capitis</i>	715	4,4
<i>P. mirabilis</i>	2.334	4,3	<i>P. aeruginosa</i>	5.843	5,0	<i>P. aeruginosa</i>	4.332	5,0	<i>E. faecium</i>	967	5,8	<i>K. pneumoniae</i>	645	4,0
<i>P. aeruginosa</i>	1.965	3,6	<i>P. mirabilis</i>	5.683	4,9	<i>S. epidermidis</i>	3.745	4,3	<i>E. faecalis</i>	702	4,2	<i>E. faecalis</i>	547	3,3
Streptokokken Gruppe A / <i>S. pyogenes</i>	1.226	2,2	<i>E. faecium</i>	3.851	3,3	<i>E. cloacae</i>	2.743	3,1	<i>E. cloacae</i>	649	3,9	<i>E. faecium</i>	528	3,2
<i>K. oxytoca</i>	1.105	2,0	<i>E. cloacae</i>	3.671	3,2	<i>E. faecium</i>	2.705	3,1	<i>P. mirabilis</i>	551	3,3	<i>S. haemolyticus</i>	411	2,5
<i>H. influenzae</i>	989	1,8	<i>K. oxytoca</i>	3.249	2,8	<i>K. oxytoca</i>	2.428	2,8	<i>K. oxytoca</i>	529	3,2	<i>P. aeruginosa</i>	298	1,8
<i>E. cloacae</i>	791	1,4	Streptokokken Gruppe B / <i>S. agalactiae</i>	2.087	1,8	Streptokokken Gruppe B / <i>S. agalactiae</i>	1.648	1,9	<i>S. hominis</i>	415	2,5	<i>P. mirabilis</i>	287	1,8
<i>S. saprophyticus</i>	571	1,0	<i>S. hominis</i>	1.704	1,5	<i>S. marcescens</i>	1.123	1,3	<i>S. marcescens</i>	401	2,4	<i>K. oxytoca</i>	212	1,3
<i>S. dysgalactiae</i>	562	1,0	<i>S. marcescens</i>	1.642	1,4	<i>M. morgani</i>	1.062	1,2	<i>S. capitis</i>	278	1,7	<i>E. cloacae</i>	207	1,3
<i>S. pneumoniae</i>	560	1,0	<i>M. morgani</i>	1.310	1,1	<i>S. hominis</i>	1.055	1,2	<i>S. maltophilia</i>	267	1,6	<i>S. pneumoniae</i>	177	1,1
<i>C. koseri</i>	541	1,0	<i>S. capitis</i>	1.066	0,9	<i>C. freundii</i>	761	0,9	<i>S. haemolyticus</i>	257	1,6	Streptokokken Gruppe B / <i>S. agalactiae</i>	157	1,0

Häufigste Erreger	Ambulant		Häufigste Erreger	Stationär		Häufigste Erreger	Normalstation		Häufigste Erreger	Intensivstation		Häufigste Erreger	Blutkultur	
	Anzahl	%		Anzahl	%		Anzahl	%		Anzahl	%		Anzahl	%
<i>M. morganii</i>	451	0,8	<i>S. haemolyticus</i>	979	0,8	<i>A. urinae</i>	710	0,8	<i>H. influenzae</i>	189	1,1	<i>S. marcescens</i>	120	0,7
<i>S. marcescens</i>	449	0,8	<i>C. freundii</i>	965	0,8	<i>C. koseri</i>	698	0,8	<i>K. aerogenes</i>	156	0,9	<i>S. dysgalactiae</i>	114	0,7
Streptokokken Gruppe C	426	0,8	<i>C. koseri</i>	928	0,8	<i>S. anginosus</i>	689	0,8	Streptokokken Gruppe B / <i>S. agalactiae</i>	145	0,9	<i>S. oralis</i>	105	0,6
<i>M. catarrhalis</i>	422	0,8	<i>A. baumannii</i> -Komplex	868	0,7	<i>A. baumannii</i> -Komplex	662	0,8	<i>M. morganii</i>	144	0,9	<i>S. anginosus</i>	97	0,6
<i>A. urinae</i>	361	0,7	<i>S. anginosus</i>	867	0,7	<i>S. haemolyticus</i>	653	0,8	<i>A. baumannii</i> -Komplex	140	0,9	<i>S. caprae</i>	97	0,6
gesamt	54.930		gesamt	116.512		gesamt	87.474		gesamt			gesamt	16.308	

% - Anteil an der Gesamtzahl der Isolate

gesamt – Gesamtzahl der Erstisolate im Versorgungsbereich/Material

Liste der ausgeschriebenen Erregernamen am Ende des Dokuments

2021

Häufigste Erreger	Ambulant		Häufigste Erreger	Stationär		Häufigste Erreger	Normalstation		Häufigste Erreger	Intensivstation		Häufigste Erreger	Blutkultur	
	Anzahl	%		Anzahl	%		Anzahl	%		Anzahl	%		Anzahl	%
<i>E. coli</i>	19.791	36,2	<i>E. coli</i>	24.582	23,5	<i>E. coli</i>	18.836	24,4	<i>E. coli</i>	2.595	15,9	<i>S. epidermidis</i>	3.445	22,8
<i>S. aureus</i>	6.970	12,8	<i>S. aureus</i>	12.307	11,7	<i>S. aureus</i>	9.106	11,8	<i>S. epidermidis</i>	1.902	11,7	<i>E. coli</i>	2.349	15,5
<i>E. faecalis</i>	3.916	7,2	<i>K. pneumoniae</i>	6.627	6,3	<i>K. pneumoniae</i>	4.882	6,3	<i>S. aureus</i>	1.691	10,4	<i>S. aureus</i>	1.440	9,5
Streptokokken Gruppe B / <i>S. agalactiae</i>	3.732	6,8	<i>S. epidermidis</i>	6.083	5,8	<i>E. faecalis</i>	4.536	5,9	<i>K. pneumoniae</i>	1.096	6,7	<i>S. hominis</i>	1.249	8,3
<i>P. mirabilis</i>	2.545	4,7	<i>E. faecalis</i>	5.610	5,4	<i>P. mirabilis</i>	4.343	5,6	<i>E. faecium</i>	923	5,7	<i>K. pneumoniae</i>	637	4,2
<i>K. pneumoniae</i>	2.468	4,5	<i>P. mirabilis</i>	5.477	5,2	<i>P. aeruginosa</i>	3.830	5,0	<i>P. aeruginosa</i>	876	5,4	<i>S. capitis</i>	626	4,1
<i>P. aeruginosa</i>	2.182	4,0	<i>P. aeruginosa</i>	5.201	5,0	<i>S. epidermidis</i>	3.640	4,7	<i>E. cloacae</i>	692	4,2	<i>E. faecium</i>	595	3,9
<i>K. oxytoca</i>	1.085	2,0	<i>E. cloacae</i>	3.521	3,4	<i>E. cloacae</i>	2.556	3,3	<i>E. faecalis</i>	670	4,1	<i>E. faecalis</i>	512	3,4
<i>E. cloacae</i>	901	1,6	<i>E. faecium</i>	3.511	3,3	<i>E. faecium</i>	2.404	3,1	<i>P. mirabilis</i>	578	3,5	<i>S. haemolyticus</i>	385	2,5
<i>S. saprophyticus</i>	569	1,0	<i>K. oxytoca</i>	3.146	3,0	<i>K. oxytoca</i>	2.343	3,0	<i>K. oxytoca</i>	550	3,4	<i>P. aeruginosa</i>	272	1,8
<i>S. dysgalactiae</i>	505	0,9	Streptokokken Gruppe B / <i>S. agalactiae</i>	1.774	1,7	Streptokokken Gruppe B / <i>S. agalactiae</i>	1.364	1,8	<i>S. hominis</i>	453	2,8	<i>P. mirabilis</i>	235	1,6
<i>M. morgani</i>	505	0,9	<i>S. hominis</i>	1.617	1,5	<i>S. marcescens</i>	1.018	1,3	<i>S. marcescens</i>	395	2,4	<i>E. cloacae</i>	195	1,3
<i>C. koseri</i>	493	0,9	<i>S. marcescens</i>	1.514	1,4	<i>M. morgani</i>	1.009	1,3	<i>S. capitis</i>	261	1,6	<i>K. oxytoca</i>	176	1,2
<i>S. pneumoniae</i>	431	0,8	<i>M. morgani</i>	1.254	1,2	<i>S. hominis</i>	943	1,2	<i>S. maltophilia</i>	238	1,5	Streptokokken Gruppe B / <i>S. agalactiae</i>	125	0,8
<i>S. marcescens</i>	403	0,7	<i>S. capitis</i>	968	0,9	<i>A. baumannii-Komplex</i>	738	1,0	<i>S. haemolyticus</i>	228	1,4	<i>S. marcescens</i>	114	0,8
<i>S. lugdunensis</i>	380	0,7	<i>A. baumannii-Komplex</i>	914	0,9	<i>C. freundii</i>	686	0,9	<i>K. aerogenes</i>	182	1,1	<i>S. mitis</i>	96	0,6

Häufigste Erreger	Ambulant		Häufigste Erreger	Stationär		Häufigste Erreger	Normalstation		Häufigste Erreger	Intensivstation		Häufigste Erreger	Blutkultur	
	Anzahl	%		Anzahl	%		Anzahl	%		Anzahl	%		Anzahl	%
<i>C. jejuni</i>	368	0,7	<i>C. freundii</i>	894	0,9	<i>S. anginosus</i>	633	0,8	<i>M.morganii</i>	137	0,8	<i>S. anginosus</i>	93	0,6
<i>S. epidermidis</i>	361	0,7	<i>S. haemolyticus</i>	880	0,8	<i>S. haemolyticus</i>	602	0,8	<i>C. freundii</i>	135	0,8	<i>S. oralis</i>	82	0,5
Streptokokken Gruppe C	352	0,6	<i>S. anginosus</i>	803	0,8	<i>C. koseri</i>	596	0,8	Streptokokken Gruppe B / <i>S. agalactiae</i>	130	0,8	<i>S. caprae</i>	79	0,5
<i>M. catarrhalis</i>	350	0,6	<i>C. koseri</i>	802	0,8	<i>S. capitis</i>	581	0,8	<i>H. influenzae</i>	130	0,8	<i>Staphylococcus</i> spp.	79	0,5
gesamt	54.639		gesamt	104.826		gesamt	77.321		gesamt	2.595	15,9	gesamt	15.120	

% - Anteil an der Gesamtzahl der Isolate

gesamt – Gesamtzahl der Erstisolate im Versorgungsbereich/Material

Liste der ausgeschriebenen Erregernamen am Ende des Dokuments

2020

Häufigste Erreger	Ambulant		Häufigste Erreger	Stationär		Häufigste Erreger	Normalstation		Häufigste Erreger	Intensivstation		Häufigste Erreger	Blutkultur	
	Anzahl	%		Anzahl	%		Anzahl	%		Anzahl	%		Anzahl	%
<i>E. coli</i>	19.656	34,4	<i>E. coli</i>	25.452	23,6	<i>E. coli</i>	19.651	24,3	<i>E. coli</i>	2.663	16,4	<i>S. epidermidis</i>	3.164	21,9
<i>S. aureus</i>	7.758	13,6	<i>S. aureus</i>	13.448	12,5	<i>S. aureus</i>	10.134	12,5	<i>S. aureus</i>	1.717	10,6	<i>E. coli</i>	2.470	17,1
<i>E. faecalis</i>	3.882	6,8	<i>K. pneumoniae</i>	6.860	6,4	<i>K. pneumoniae</i>	5.045	6,2	<i>S. epidermidis</i>	1.683	10,3	<i>S. aureus</i>	1.423	9,9
Streptokokken Gruppe B / <i>S. agalactiae</i>	3.687	6,5	<i>S. epidermidis</i>	6.027	5,6	<i>E. faecalis</i>	4.704	5,8	<i>K. pneumoniae</i>	1.182	7,3	<i>S. hominis</i>	1.092	7,6
<i>P. mirabilis</i>	2.616	4,6	<i>E. faecalis</i>	5.919	5,5	<i>P. mirabilis</i>	4.619	5,7	<i>P. aeruginosa</i>	982	6,0	<i>K. pneumoniae</i>	592	4,1
<i>K. pneumoniae</i>	2.591	4,5	<i>P. mirabilis</i>	5.834	5,4	<i>P. aeruginosa</i>	4.205	5,2	<i>E. faecium</i>	873	5,4	<i>S. capitis</i>	581	4,0
<i>P. aeruginosa</i>	2.250	3,9	<i>P. aeruginosa</i>	5.667	5,3	<i>S. epidermidis</i>	3.872	4,8	<i>E. faecalis</i>	772	4,7	<i>E. faecium</i>	475	3,3
Streptokokken Gruppe A / <i>S. pyogenes</i>	1.323	2,3	<i>E. cloacae</i>	3.405	3,2	<i>E. cloacae</i>	2.536	3,1	<i>E. cloacae</i>	657	4,0	<i>E. faecalis</i>	474	3,3
<i>K. oxytoca</i>	1.102	1,9	<i>E. faecium</i>	3.387	3,1	<i>E. faecium</i>	2.406	3,0	<i>P. mirabilis</i>	639	3,9	<i>S. haemolyticus</i>	348	2,4
<i>E. cloacae</i>	920	1,6	<i>K. oxytoca</i>	2.970	2,8	<i>K. oxytoca</i>	2.224	2,8	<i>K. oxytoca</i>	513	3,2	<i>P. mirabilis</i>	271	1,9
<i>H. influenzae</i>	669	1,2	Streptokokken Gruppe B / <i>S. agalactiae</i>	1.875	1,7	Streptokokken Gruppe B / <i>S. agalactiae</i>	1.442	1,8	<i>S. hominis</i>	353	2,2	<i>P. aeruginosa</i>	266	1,8
<i>S. dysgalactiae</i>	526	0,9	<i>S. marcescens</i>	1.540	1,4	<i>S. marcescens</i>	1.103	1,4	<i>S. marcescens</i>	333	2,0	<i>E. cloacae</i>	211	1,5
<i>C. koseri</i>	497	0,9	<i>S. hominis</i>	1.432	1,3	<i>M. morgani</i>	1.026	1,3	<i>S. capitis</i>	228	1,4	<i>K. oxytoca</i>	155	1,1
<i>S. saprophyticus</i>	486	0,9	<i>M. morgani</i>	1.277	1,2	<i>S. hominis</i>	932	1,2	<i>S. maltophilia</i>	222	1,4	Streptokokken Gruppe B / <i>S. agalactiae</i>	129	0,9
<i>S. pneumoniae</i>	476	0,8	<i>A. baumannii</i> - Komplex	939	0,9	<i>A. baumannii</i> - Komplex	726	0,9	<i>S. haemolyticus</i>	201	1,2	<i>S. anginosus</i>	103	0,7

Häufigste Erreger	Ambulant		Häufigste Erreger	Stationär		Häufigste Erreger	Normalstation		Häufigste Erreger	Intensivstation		Häufigste Erreger	Blutkultur	
	Anzahl	%		Anzahl	%		Anzahl	%		Anzahl	%		Anzahl	%
<i>S. marcescens</i>	470	0,8	<i>S. capitis</i>	887	0,8	<i>C. freundii</i>	638	0,8	<i>A. baumannii</i> - Komplex	175	1,1	<i>S. marcescens</i>	102	0,7
<i>M. morgani</i>	451	0,8	<i>S. haemolyticus</i>	859	0,8	<i>S. anginosus</i>	624	0,8	<i>H. influenzae</i>	162	1,0	<i>S. pneumoniae</i>	98	0,7
<i>S. epidermidis</i>	438	0,8	<i>C. freundii</i>	818	0,8	<i>S. haemolyticus</i>	615	0,8	<i>M. morgani</i>	150	0,9	<i>S. mitis</i>	97	0,7
Streptokokken Gruppe C	406	0,7	<i>S. anginosus</i>	790	0,7	<i>C. koseri</i>	568	0,7	<i>C. freundii</i>	141	0,9	<i>S. oralis</i>	94	0,7
<i>A. baumannii</i> - Komplex	356	0,6	<i>C. koseri</i>	754	0,7	<i>S. capitis</i>	555	0,7	Streptokokken Gruppe B / <i>S.</i> <i>agalactiae</i>	133	0,8	<i>Staphylococcus</i> spp.	87	0,6
gesamt	57.137		gesamt	107.917		gesamt	80.861		gesamt	16.271		gesamt	14.416	

% - Anteil an der Gesamtzahl der Isolate

gesamt – Gesamtzahl der Erstisolate im Versorgungsbereich/Material

Liste der ausgeschriebenen Erregernamen am Ende des Dokuments

2019

Häufigste Erreger	Ambulant		Häufigste Erreger	Stationär		Häufigste Erreger	Normalstation		Häufigste Erreger	Intensivstation		Häufigste Erreger	Blutkultur	
	Anzahl	%		Anzahl	%		Anzahl	%		Anzahl	%		Anzahl	%
<i>E. coli</i>	20.690	31,4	<i>E. coli</i>	32.195	24,0	<i>E. coli</i>	25.308	24,7	<i>E. coli</i>	3.141	16,9	<i>S. epidermidis</i>	3.519	20,6
<i>S. aureus</i>	9.058	13,7	<i>S. aureus</i>	17.642	13,1	<i>S. aureus</i>	13.675	13,3	<i>S. aureus</i>	2.015	10,8	<i>E. coli</i>	3.111	18,2
<i>E. faecalis</i>	5.043	7,6	<i>K. pneumoniae</i>	8.531	6,4	<i>K. pneumoniae</i>	6.490	6,3	<i>S. epidermidis</i>	1.727	9,3	<i>S. aureus</i>	1.709	10,0
Streptokokken Gruppe B / <i>S. agalactiae</i>	3.979	6,0	<i>E. faecalis</i>	7.678	5,7	<i>E. faecalis</i>	6.195	6,0	<i>K. pneumoniae</i>	1.351	7,3	<i>S. hominis</i>	1.292	7,6
<i>P. mirabilis</i>	2.931	4,4	<i>P. mirabilis</i>	7.210	5,4	<i>P. mirabilis</i>	5.884	5,7	<i>P. aeruginosa</i>	1.247	6,7	<i>K. pneumoniae</i>	749	4,4
<i>K. pneumoniae</i>	2.698	4,1	<i>P. aeruginosa</i>	6.978	5,2	<i>P. aeruginosa</i>	5.178	5,0	<i>E. faecium</i>	1.039	5,6	<i>S. capitis</i>	619	3,6
<i>P. aeruginosa</i>	2.410	3,7	<i>S. epidermidis</i>	6.814	5,1	<i>S. epidermidis</i>	4.492	4,4	<i>E. faecalis</i>	938	5,0	<i>E. faecalis</i>	617	3,6
Streptokokken Gruppe A / <i>S. pyogenes</i>	2.208	3,3	<i>E. cloacae</i>	4.173	3,1	<i>E. cloacae</i>	3.188	3,1	<i>E. cloacae</i>	730	3,9	<i>E. faecium</i>	472	2,8
<i>H. influenzae</i>	1.255	1,9	<i>E. faecium</i>	3.934	2,9	<i>E. faecium</i>	2.748	2,7	<i>P. mirabilis</i>	652	3,5	<i>S. haemolyticus</i>	369	2,2
<i>K. oxytoca</i>	1.151	1,7	<i>K. oxytoca</i>	3.492	2,6	<i>K. oxytoca</i>	2.666	2,6	<i>K. oxytoca</i>	566	3,0	<i>P. mirabilis</i>	341	2,0
<i>E. cloacae</i>	1.021	1,5	Streptokokken Gruppe B / <i>S. agalactiae</i>	2.345	1,7	Streptokokken Gruppe B / <i>S. agalactiae</i>	1.835	1,8	<i>S. marcescens</i>	394	2,1	<i>P. aeruginosa</i>	298	1,7
<i>S. pneumoniae</i>	760	1,2	<i>S. marcescens</i>	1.747	1,3	<i>M. morgani</i>	1.299	1,3	<i>S. hominis</i>	341	1,8	<i>E. cloacae</i>	246	1,4
<i>S. epidermidis</i>	745	1,1	<i>S. hominis</i>	1.698	1,3	<i>S. marcescens</i>	1.248	1,2	<i>S. maltophilia</i>	253	1,4	<i>S. pneumoniae</i>	201	1,2
<i>M. morgani</i>	549	0,8	<i>M. morgani</i>	1.560	1,2	<i>S. hominis</i>	1.140	1,1	<i>H. influenzae</i>	243	1,3	Streptokokken Gruppe B / <i>S. agalactiae</i>	176	1,0
<i>S. dysgalactiae</i>	527	0,8	<i>H. influenzae</i>	1.165	0,9	<i>Acinetobacter baumannii</i> -Komplex	897	0,9	<i>S. haemolyticus</i>	232	1,2	<i>K. oxytoca</i>	174	1,0

Häufigste Erreger	Ambulant		Häufigste Erreger	Stationär		Häufigste Erreger	Normalstation		Häufigste Erreger	Intensivstation		Häufigste Erreger	Blutkultur	
	Anzahl	%		Anzahl	%		Anzahl	%		Anzahl	%		Anzahl	%
<i>M. catarrhalis</i>	515	0,8	<i>Acinetobacter baumannii-Komplex</i>	1.144	0,9	<i>H. influenzae</i>	772	0,8	<i>S. capitis</i>	216	1,2	<i>Streptococcus mitis</i>	140	0,8
<i>S. marcescens</i>	505	0,8	<i>C. freundii</i>	999	0,7	<i>C. freundii</i>	768	0,7	<i>Acinetobacter baumannii-Komplex</i>	182	1,0	<i>Serratia marcescens</i>	116	0,7
<i>C. koseri</i>	500	0,8	<i>S. capitis</i>	977	0,7	<i>S. anginosus</i>	744	0,7	<i>C. freundii</i>	169	0,9	<i>Streptococcus anginosus</i>	115	0,7
<i>Acinetobacter baumannii-Komplex</i>	500	0,8	<i>C. koseri</i>	948	0,7	<i>C. koseri</i>	739	0,7	<i>K. aerogenes</i>	165	0,9	<i>Streptococcus dysgalactiae</i>	103	0,6
Streptokokken Gruppe C	478	0,7	<i>S. haemolyticus</i>	944	0,7	<i>S. haemolyticus</i>	655	0,6	Streptokokken Gruppe B / <i>S. agalactiae</i>	160	0,9	<i>Streptococcus oralis</i>	100	0,6
gesamt	65.935		gesamt	134.250		gesamt	102.647		gesamt	18.613		gesamt	17.082	

% - Anteil an der Gesamtzahl der Isolate

gesamt – Gesamtzahl der Erstisolate im Versorgungsbereich/Material

Liste der ausgeschriebenen Erregernamen am Ende des Dokuments



Abkürzung	Erregername
A. baumannii-Komplex	<i>Acinetobacter baumannii</i> -Komplex
C. jejuni	<i>Campylobacter jejuni</i>
C. freundii	<i>Citrobacter freundii</i>
C. koseri	<i>Citrobacter koseri</i>
E. cloacae	<i>Enterobacter cloacae</i>
E. faecalis	<i>Enterococcus faecalis</i>
E. faecium	<i>Enterococcus faecium</i>
E. coli	<i>Escherichia coli</i>
H. influenzae	<i>Haemophilus influenzae</i>
K. aerogenes	<i>Klebsiella</i> (früher: <i>Enterobacter</i>) <i>aerogenes</i>
K. oxytoca	<i>Klebsiella oxytoca</i>
K. pneumoniae	<i>Klebsiella pneumoniae</i>
M. catarrhalis	<i>Moraxella catarrhalis</i>
M. morganii	<i>Morganella morganii</i>
P. mirabilis	<i>Proteus mirabilis</i>
P. aeruginosa	<i>Pseudomonas aeruginosa</i>
S. marcescens	<i>Serratia marcescens</i>
S. aureus	<i>Staphylococcus aureus</i>
S. capitis	<i>Staphylococcus capitis</i>
S. caprae	<i>Staphylococcus caprae</i>
S. epidermidis	<i>Staphylococcus epidermidis</i>
S. haemolyticus	<i>Staphylococcus haemolyticus</i>
S. hominis	<i>Staphylococcus hominis</i>
S. lugdunensis	<i>Staphylococcus lugdunensis</i>
S. saprophyticus	<i>Staphylococcus saprophyticus</i>
S. spp.	<i>Staphylococcus</i> spp.
S. maltophilia	<i>Stenotrophomonas maltophilia</i>
S. anginosus	<i>Streptococcus anginosus</i>
S. dysgalactiae	<i>Streptococcus dysgalactiae</i>
S. mitis	<i>Streptococcus mitis</i>
S. oralis	<i>Streptococcus oralis</i>
S. pneumoniae	<i>Streptococcus pneumoniae</i>
-	Streptokokken Gruppe A / <i>S. pyogenes</i>
-	Streptokokken Gruppe B / <i>S. agalactiae</i>
-	Streptokokken Gruppe C